

天  
净  
沙  
系  
列

CAT#:60908-1440  
CAT#:60908-1390  
低温运输, -20℃ 保存

**TIANDZ**

**pcDNA3.1(+), (-)质粒**

**pcDNA3.1(+), (-)Plasmids**

图谱及序列

北京天恩泽基因科技有限公司

北京市海淀区上地信息路 26 号北京市留学人员海淀创业园中关村创业大厦 506

网址: [www.tiandz.com](http://www.tiandz.com); 电话: 400-6765278; 电邮: [order@tiandz.com](mailto:order@tiandz.com)

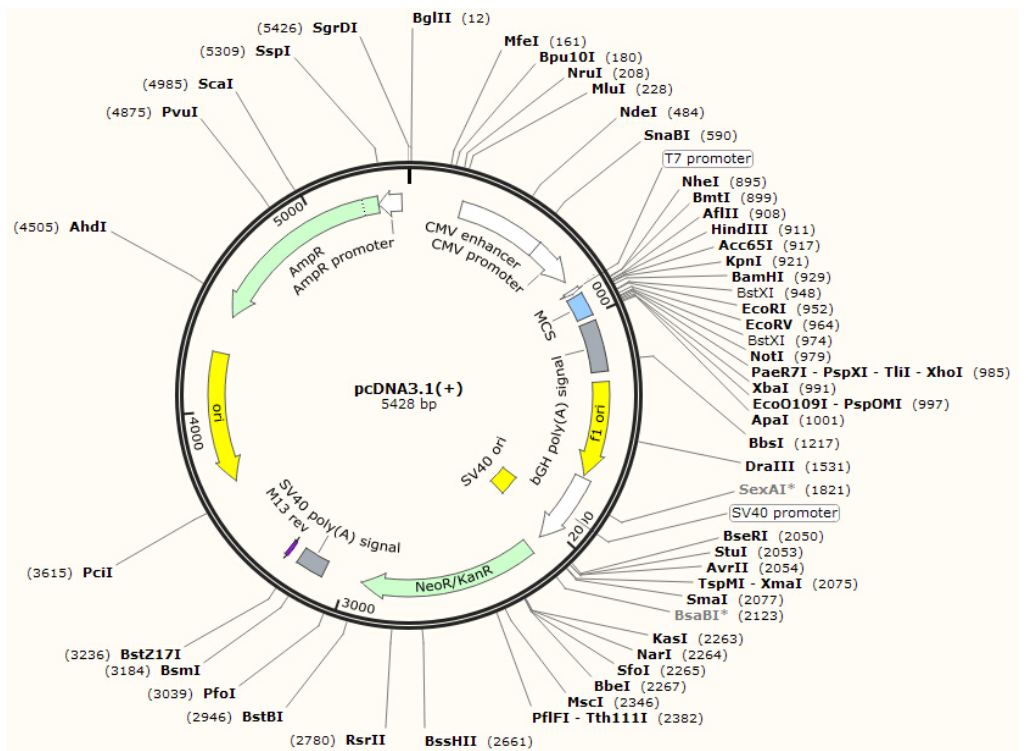
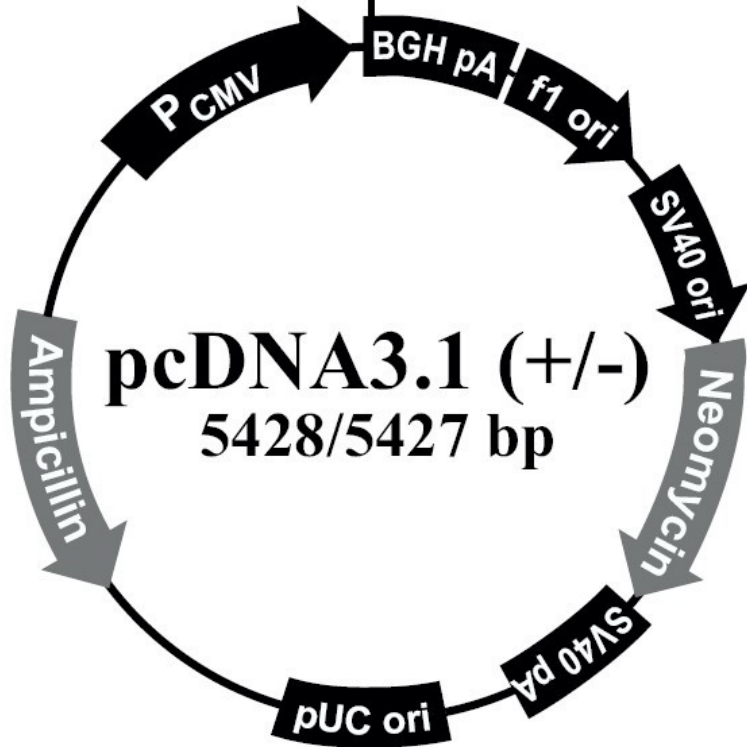
<b>产品及特点</b>	质粒名称	pcDNA3.1(+)	pcDNA3.1(-)
	质粒大小	5428 bp	5427 bp
	抗性	氨苄青霉素 (Ampicillin)	氨苄青霉素 (Ampicillin)
	筛选标记	新霉素(G418)	新霉素(G418)
	质粒类型	哺乳动物细胞表达载体	哺乳动物细胞表达载体
	是否病毒	非病毒	非病毒
	启动子	CMV	CMV
	稳转或瞬转	瞬转	瞬转
	组成型或诱导性	组成型	组成型
	表达水平	高	高
	测序引物	pcDNA3.1-F:CTAGAGAACCCACTGCTTAC pcDNA3.1-R (BGH-R):TAGAAGGCACAGTCGAGG	
	备注	pcDNA3.1(+)/pcDNA3.1(-)载体的差异在于多克隆位点区域酶切位点顺序是相反的，中间片段可以从左或右插入。	

<b>规格及成分</b>	成分	产品编号	产品规格
	pcDNA3.1(+)质粒 DNA	60908-1440	2 µg
	或者 pcDNA3.1(-)质粒 DNA	60908-1390	2 µg
	使用手册	1 份	

<b>多克隆位点</b>	<p>pcDNA3.1(+):</p> <pre>           enhancer region (3' end)            -----  689  CATTGACGTC AATGGGAGTT TGTTTTGGCA CCAAATCAA CGGGACTTTC CAAAATGTCG            -----            CAAT            -----  749  TAACAACTCC GCCCATTGA CGCAAATGGG CGGTAGGCGT GTACGGTGGG AGGTCTATAT            -----            3' end of hCMV            -----            putative transcriptional start            -----  809  AAGCAGAGCT C TCTGGCTAA CTAGAGAACC CACTGCTTAC TGGCTTATCG AAATTAATAC            -----            T7 promoter/primer binding site            -----            Nhe I            -----            Pme I            -----            Aff II            -----            Hind III            -----            Asp718 I            -----            Kpn I 869  GACTCACTAT AGGGAGACCC AAGCTGGCTA GCGTTTAAAC TTAAGCTTGG TACCGAGCTC            -----            BamH I            -----            BstX I*            -----            EcoR I            -----            EcoR V            -----            BstX I*            -----            Not I            -----            Xho I 929  GGATCCACTA GTCCAGTGTG GTGGAATTCT GCAGATATCC AGCACAGTGG CGGCCGCTCG            -----            Xba I            -----            Apa I            -----            Pme I            -----            pcDNA3.1/BGH reverse priming site 989  AGTCTAGAGG GCCCGTTTAA ACCCGCTGAT CAGCCTCGAC TGTGCCTTCT AGTTGCCAGC            -----  1049 CATCTGTTGT TTGCCCTCC CCGTGCCTT CCTTGACCTT GGAAGGTGCC ACTCCCACTG            -----            BGH poly (A) site            -----  1109 TCCTTTCCTA ATAAAATGAG GAAATTGCAT </pre> <p>*Please note that there are two <i>BstX I</i> sites in the polylinker.</p>
--------------	--

	<p>pcDNA3.1(-):</p> <pre>           enhancer region (3' end) 689  CATTGACGTC AATGGGAGTT TGT TTTGGCA CCAAATCAA CGGACTTTC CAAATGTCC           CAAT 749  TAACAAC TCC GCCCATTGA CGCAAATGGG CGGTAGGCGT GTACGGTGGG AGGTCTATAT           3' end of hCMV           putative transcriptional start 809  AAGCAGAGCT CTCTGGCTAA CTAGAGAACC CACTGCTTAC TGGCTTATCG AAATTAATAC           T7 promoter/primer binding site           Nhe I Pme I Apa I Xba I Xho I Not I 869  GACTCACTAT AGGGAGACCC AAGCTGGCTA GCGTTTAAAC GGGCCCTCTA GACTCGAGCG           BstX I* EcoR V EcoR I BstX I* BamH I 929  GCCGCCACTG TGCTGGATAT CTGCAGAATT CCACCACACT GGACTAGTGG ATCCGAGCTC           Asp718 I Kpn I Hind III Afl II Pme I pcDNA3.1/BGH reverse priming site 989  GGTACCAAGC TTAAGTTTAA ACCGCTGATC AGCCTCGACT GTGCCTTCTA GTTGCCAGCC  1049 ATCTGTTGTT TGCCCCTCCC CCGTGCCTTC CTTGACCCTG GAAGGTGCCA CTCCCCTGT           BGH poly (A) site 1109 CCTTTCCTAA TAAAATGAGG AAATTGCATC </pre> <p>*Please note that there are two <i>BstX I</i> sites in the polylinker.</p>
<p><b>运输及保存</b></p>	<p>低温运输，-20℃保存，有效期一年。</p>
<p><b>使用方法</b></p>	<p>具体步骤请见分子克隆手册等工具书。</p>

质粒图谱



pcDNA3.1(-)图谱略，其区别见多克隆位点。

主要功能区	名称	位置	长度(bp)	类别
	CMV Enhancer	235-614	380	增强子
	CMV Promoter	615-818	204	启动子
	T7 Promoter	863-881	19	启动子
	MCS	895-1002	108	misc_feature
	bGH poly(A) signal	1028-1252	225	PolyA 信号
	f1 Ori	1298-1726	429	复制起始区
	SV40 Promoter	1740-2069	330	启动子
	SV40 Ori	1920-2055	136	复制起始区
	NeoR/KanR	2136-2930	795	编码区
	SV40 poly(A) signal	3104-3225	122	PolyA 信号
	M13 rev	3274-3290	17	引物结合
	Ori	3676-4261	586	复制起始区
	AmpR	4432-5292	861	编码区
	AmpR promoter	5293-5397	105	启动子

注：此表信息为 pcDNA3.1(+)质粒主要功能区信息。

质粒序列	本序列为 pcDNA3.1(+)质粒序列，电子版可从网站 <a href="http://www.tiandz.com">www.tiandz.com</a> 下载，其与 pcDNA3.1(+)区别见多克隆位点						
	1	GACGGATCGG	GAGATCTCCC	GATCCCCTAT	GGTGCACCTCT	CAGTACAATC	TGCTCTGATG
	61	CCGCATAGTT	AAGCCAGTAT	CTGCTCCCTG	CTTGTGTGTT	GGAGGTCGCT	GAGTAGTGCG
	121	CGAGCAAAAT	TTAAGCTACA	ACAAGGCAAG	GCTTGACCGA	CAATTGCATG	AAGAATCTGC
	181	TTAGGGTTAG	GCGTTTTGCG	CTGCTTCGCG	ATGTACGGGC	CAGATATACG	CGTTGACATT
	241	GATTATTGAC	TAGTTATTAA	TAGTAATCAA	TTACGGGGTC	ATTAGTTCAT	AGCCCATATA
	301	TGGAGTTCCG	CGTTACATAA	CTTACGGTAA	ATGGCCCGCC	TGGCTGACCG	CCCAACGACC
	361	CCCGCCCAT	GACGTCAATA	ATGACGTATG	TTCCCATAGT	AACGCCAATA	GGGACTTTCC
	421	ATTGACGTCA	ATGGGTGGAG	TATTTACGGT	AAACTGCCCA	CTTGGCAGTA	CATCAAGTGT
	481	ATCATATGCC	AAGTACGCC	CCTATTGACG	TCAATGACGG	TAAATGGCCC	GCCTGGCATT
	541	ATGCCCAGTA	CATGACCTTA	TGGGACTTTC	CTACTTGGCA	GTACATCTAC	GTATTAGTCA
	601	TCGCTATTAC	CATGGTGATG	CGTTTTTGGC	AGTACATCAA	TGGGCCTGGA	TAGCGGTTTG
	661	ACTCACGGGG	ATTTCCAAGT	CTCCACCCCA	TTGACGTCAA	TGGGAGTTTG	TTTTGGCACC
	721	AAAATCAACG	GGACTTTCCA	AAATGTCGTA	ACAACCTCCG	CCCATTGACG	CAAAATGGGCG
	781	GTAGGCGTGT	ACGGTGGGAG	GTCTATATAA	GCAGAGCTCT	CTGGCTAACT	AGAGAACCCA
	841	CTGCTTACTG	GCTTATCGAA	ATTAATACGA	CTCACTATAG	GGAGACCCAA	GCTGGCTAGC
	901	GTTTAAACTT	AAGCTTGGTA	CCGAGCTCGG	ATCCACTAGT	CCAGTGTGGT	GGAATTCCTGC
	961	AGATATCCAG	CACAGTGGCG	GCCGCTCGAG	TCTAGAGGGC	CCGTTTAAAC	CCGCTGATCA
	1021	GCCTCGACTG	TGCCTTCTAG	TTGCCAGCCA	TCTGTTGTTT	GCCCCTCCCC	CGTGCCTTCC
	1081	TTGACCCTGG	AAGGTGCCAC	TCCCACTGTC	CTTTCCTAAT	AAAATGAGGA	AATTGCATCG

1141	CATGTCTGA	GTAGGTGTCA	TTCTATTCTG	GGGGTGGGG	TGGGGCAGGA	CAGCAAGGGG
1201	GAGGATTGGG	AAGACAATAG	CAGGCATGCT	GGGGATGCGG	TGGGCTCTAT	GGCTTCTGAG
1261	GCGGAAAGAA	CCAGCTGGGG	CTCTAGGGGG	TATCCCCACG	CGCCCTGTAG	CGGCGCATT
1321	AGCGCGGCGG	GTGTGGTGGT	TACGCGCAGC	GTGACCGCTA	CACTTGCCAG	CGCCCTAGCG
1381	CCGCTCCTT	TCGCTTCTT	CCCTTCCTT	CTCGCCACGT	TCGCCGGCTT	TCCCCGTCAA
1441	GCTCTAAATC	GGGGCTCCC	TTAGGGTTC	CGATTTAGTG	CTTACGGCA	CCTCGACCCC
1501	AAAAAACTG	ATTAGGGTGA	TGGTTCACGT	AGTGGGCCAT	CGCCCTGATA	GACGGTTTTT
1561	CGCCCTTGA	CGTTGGAGTC	CACGTTCTTT	AATAGTGGAC	TCTTGTCCA	AACTGGAACA
1621	AACTCAACC	CTATCTCGGT	CTATTCTTTT	GATTTATAAG	GGATTTTGCC	GATTTCGGCC
1681	TATTGGTTAA	AAAATGAGCT	GATTTAACA	AAATTTAACG	CGAATTAATT	CTGTGGAATG
1741	TGTGTCAGTT	AGGGTGTGGA	AAGTCCCAG	GCTCCCAGC	AGGCAGAAGT	ATGCAAAGCA
1801	TGCATCTCAA	TTAGTCAGCA	ACCAGGTGTG	GAAAGTCCCC	AGGCTCCCCA	GCAGGCAGAA
1861	GTATGCAAAG	CATGCATCTC	AATTAGTCAG	CAACCATAGT	CCCGCCCTA	ACTCCGCCCA
1921	TCCCGCCCCT	AACTCCGCC	AGTCCGCC	ATCTCCGCC	CCATGGCTGA	CTAATTTTTT
1981	TTATTTATGC	AGAGGCCGAG	GCCGCCTCTG	CCTCTGAGCT	ATTCCAGAAG	TAGTGAGGAG
2041	GCTTTTTTGG	AGGCCTAGGC	TTTTGCAAAA	AGCTCCCGGG	AGCTTGATA	TCCATTTTCG
2101	GATCTGATCA	AGAGACAGGA	TGAGGATCGT	TTCGCATGAT	TGAACAAGAT	GGATTGCACG
2161	CAGGTTCTCC	GGCCGCTTGG	GTGGAGAGGC	TATTCGGCTA	TGACTGGGCA	CAACAGACAA
2221	TCGGCTGCTC	TGATGCCGCC	GTGTTCCGGC	TGTCAGCGCA	GGGGCGCCG	GTCTTTTTTG
2281	TCAAGACCGA	CCTGTCCGGT	GCCCTGAATG	AACTGCAGGA	CGAGGCAGCG	CGGCTATCGT
2341	GGCTGGCCAC	GACGGGCGTT	CCTTGCGCAG	CTGTGCTCGA	CGTTGCTACT	GAAGCGGAA
2401	GGGACTGGCT	GCTATTGGGC	GAAGTGCCGG	GGCAGGATCT	CCTGTCACT	CACCTTGCTC
2461	CTGCCGAGAA	AGTATCCATC	ATGGCTGATG	CAATGCGGCG	GCTGCATACG	CTTGATCCGG
2521	CTACCTGCCC	ATTCGACCAC	CAAGCGAAAC	ATCGCATCGA	GCGAGCACGT	ACTCGGATGG
2581	AAGCCGGTCT	TGTCGATCAG	GATGATCTGG	ACGAAGAGCA	TCAGGGGCTC	GCGCCAGCCG
2641	AACTGTTTCG	CAGGCTCAAG	GCGCGCATGC	CCGACGGCGA	GGATCTCGTC	GTGACCCATG
2701	GCGATGCCCTG	CTTGCCGAAT	ATCATGGTGG	AAAATGGCCG	CTTTTCTGGA	TTCATCGACT
2761	GTGGCCGGCT	GGGTGTGGCG	GACCGCTATC	AGGACATAGC	GTTGGCTACC	CGTGATATTG
2821	CTGAAGAGCT	TGGCGGCGAA	TGGGCTGACC	GCTTCTCGT	GCTTTACGGT	ATCGCCGCTC
2881	CCGATTCGCA	GCGCATCGCC	TTCTATCGCC	TTCTTGACGA	GTTCTTCTGA	GCGGGACTCT
2941	GGGTTTCGAA	ATGACCGACC	AAGCGACGCC	CAACCTGCCA	TCACGAGATT	TCGATTCAC
3001	CGCCGCCCTC	TATGAAAGGT	TGGGCTTCGG	AATCGTTTTT	CGGGACGCCG	GCTGGATGAT
3061	CCTCCAGCGC	GGGATCTCA	TGCTGGAGTT	CTTCGCCAC	CCCAACTTGT	TTATTGCAGC
3121	TTATAATGGT	TACAAAATAA	GCAATAGCAT	CACAAATTTT	ACAAAATAAAG	CATTTTTTTT
3181	ACTGCATTCT	AGTTGTGGTT	TGTCCAAACT	CATCAATGTA	TCTTATCATG	TCTGTATAAC
3241	GTCGACCTCT	AGCTAGAGCT	TGGCGTAATC	ATGGTCATAG	CTGTTTCTCTG	TGTGAAATTG
3301	TTATCCGCTC	ACAATCCAC	ACAACATACG	AGCCGGAAGC	ATAAAGTGTA	AAGCCTGGGG
3361	TGCCTAATGA	GTGAGCTAAC	TCACATTAAT	TGCGTTGCGC	TCACTGCCCG	CTTCCAGTC
3421	GGGAAACCTG	TCGTGCCAGC	TGCATTAATG	AATCGGCCAA	CGCGCGGGGA	GAGGCGGTTT
3481	GCGTATTGGG	CGCTCTCCG	CTTCTCGCT	CACTGACTCG	CTGCGCTCGG	TCGTTCCGGT
3541	GCGGCGAGCG	GTATCAGCTC	ACTCAAAGGC	GGTAATACGG	TTATCCACAG	AATCAGGGGA
3601	TAACGCAGGA	AAGAACATGT	GAGCAAAAGG	CCAGCAAAAG	GCCAGGAACC	GTAAAAAGGC
3661	CGCGTTGCTG	GCGTTTTTCC	ATAGGCTCCG	CCCCCTGAC	GAGCATCACA	AAAATCGACG

3721	CTCAAGTCAG	AGGTGGCGAA	ACCCGACAGG	ACTATAAAGA	TACCAGGCGT	TTCCCCCTGG
3781	AAGCTCCCTC	GTGCGCTCTC	CTGTTCCGAC	CCTGCCGCTT	ACCGGATACC	TGTCCGCTT
3841	TCTCCCTTCG	GGAAGCGTGG	CGCTTTCTCA	TAGCTCACGC	TGTAGGTATC	TCAGTTCGGT
3901	GTAGGTCGTT	CGCTCCAAGC	TGGGCTGTGT	GCACGAACCC	CCCGTTCAGC	CCGACCGCTG
3961	CGCCTTATCC	GGTAACTATC	GTCTTGAGTC	CAACCCGGTA	AGACACGACT	TATCGCCACT
4021	GGCAGCAGCC	ACTGGTAACA	GGATTAGCAG	AGCGAGGTAT	GTAGGCGGTG	CTACAGAGTT
4081	CTTGAAGTGG	TGGCCTAACT	ACGGCTACAC	TAGAAGAACA	GTATTTGGTA	CTGCGCTCT
4141	GCTGAAGCCA	GTTACCTTCG	GAAAAAGAGT	TGGTAGCTCT	TGATCCGGCA	AACAAACCAC
4201	CGCTGGTAGC	GGTTTTTTTG	TTTGCAAGCA	GCAGATTACG	CGCAGAAAAA	AAGGATCTCA
4261	AGAAGATCCT	TTGATCTTTT	CTACGGGGTC	TGACGCTCAG	TGGAACGAAA	ACTCACGTTA
4321	AGGGATTTTG	GTCATGAGAT	TATCAAAAAG	GATCTTCACC	TAGATCCTTT	TAAATTAATA
4381	ATGAAGTTTT	AAATCAATCT	AAAGTATATA	TGAGTAAACT	TGGTCTGACA	GTTACCAATG
4441	CTTAATCAGT	GAGGCACCTA	TCTCAGCGAT	CTGTCTATTT	CGTTCATCCA	TAGTTGCTGT
4501	ACTCCCCGTC	GTGTAGATAA	CTACGATACG	GGAGGGCTTA	CCATCTGGCC	CCAGTGCTGC
4561	AATGATACCG	CGAGACCCAC	GCTCACCGGC	TCCAGATTTA	TCAGCAATAA	ACCAGCCAGC
4621	CGGAAGGGCC	GAGCGCAGAA	GTGGTCCTGC	AACTTTATCC	GCCTCCATCC	AGTCTATTAA
4681	TTGTTGCCGG	GAAGCTAGAG	TAAGTAGTTC	GCCAGTTAAT	AGTTTGCGCA	ACGTTGTTGC
4741	CATTGCTACA	GGCATCGTGG	TGTCACGCTC	GTCGTTTGGT	ATGGCTTCAT	TCAGCTCCGG
4801	TTCCAACGA	TCAAGGCGAG	TTACATGATC	CCCCATGTTG	TGCAAAAAG	CGTTAGCTC
4861	CTTCGGTCCT	CCGATCGTTG	TCAGAAGTAA	GTGCGCCGCA	GTGTTATCAC	TCATGGTTAT
4921	GGCAGCACTG	CATAATTCTC	TTACTGTCAT	GCCATCCGTA	AGATGCTTTT	CTGTGACTGG
4981	TGAGTACTCA	ACCAAGTCAT	TCTGAGAATA	GTGTATGCGG	CGACCGAGTT	GCTCTTGCCC
5041	GGCGTCAATA	CGGGATAATA	CCGCGCCACA	TAGCAGAACT	TTAAAAGTGC	TCATCATTGG
5101	AAAACGTTCT	TCGGGGCGAA	AACTCTCAAG	GATCTTACCG	CTGTTGAGAT	CCAGTTCGAT
5161	GTAACCCACT	CGTGCACCCA	ACTGATCTTC	AGCATCTTTT	ACTTTCACCA	GCGTTTCTGG
5221	GTGAGCAAAA	ACAGGAAGGC	AAAATGCCGC	AAAAAAGGGA	ATAAGGGCGA	CACGGAATG
5281	TTGAATACTC	ATACTCTTCC	TTTTTCAATA	TTATTGAAGC	ATTTATCAGG	GTATTGTCT
5341	CATGAGCGGA	TACATATTTG	AATGTATTTA	GAAAAATAAA	CAATAGGGG	TTCCGCGCAC
5401	ATTTCCCCGA	AAAGTGCCAC	CTGACGTC			